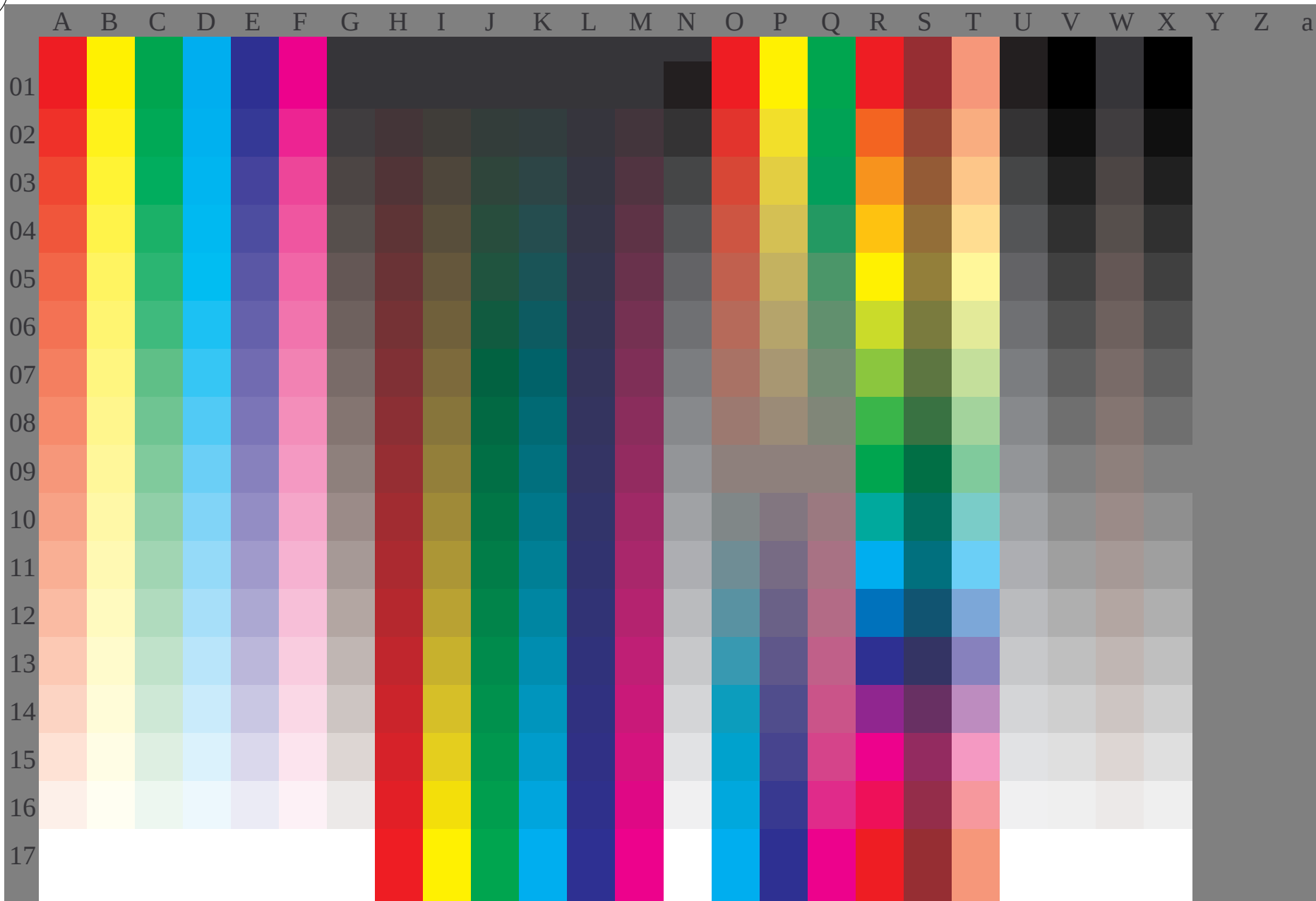
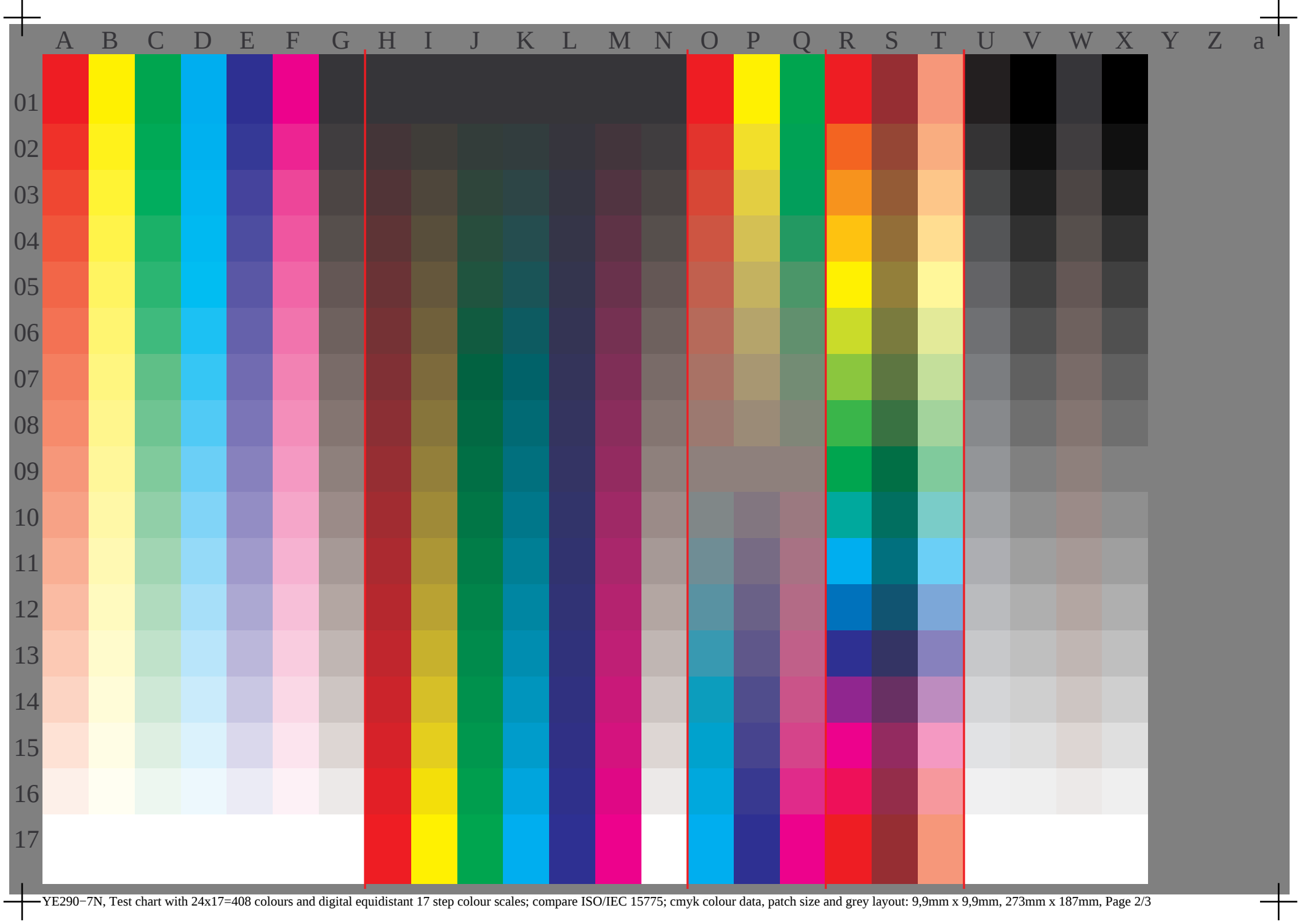


See for similar files: <http://www.ps.bam.de/YE29/>; www.ps.bam.de/YE.HTM
Technical information: <http://www.ps.bam.de> Version 2.1, io=1,1

BAM registration: 20070101-YE29/10L/L29E00NP.PS/.PDF BAM material: code=rh4ta
application for evaluation and measurement of printer or monitor systems





		A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	a
01	001 A01	0.0	0.0	1.0	1.0	1.0	0.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
		1.0	1.0	0.0	0.0	0.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
02	002 A02	0.0	0.0	0.937	0.937	0.937	0.0	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937
		0.937	0.0	0.0	0.0	0.937	0.937	0.937	0.0	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937	0.937
03	003 A03	0.0	0.0	0.875	0.875	0.875	0.0	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875
		0.875	0.0	0.0	0.0	0.875	0.875	0.875	0.0	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875	0.875
04	004 A04	0.0	0.0	0.812	0.812	0.812	0.0	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812
		0.812	0.0	0.0	0.0	0.812	0.812	0.812	0.0	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812	0.812
05	005 A05	0.0	0.0	0.75	0.75	0.75	0.0	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75
		0.75	0.0	0.0	0.0	0.75	0.75	0.75	0.0	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75	0.75
06	006 A06	0.0	0.0	0.687	0.687	0.687	0.0	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687
		0.687	0.0	0.0	0.0	0.687	0.687	0.687	0.0	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687	0.687
07	007 A07	0.0	0.0	0.625	0.625	0.625	0.0	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625
		0.625	0.0	0.0	0.0	0.625	0.625	0.625	0.0	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625	0.625
08	008 A08	0.0	0.0	0.562	0.562	0.562	0.0	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562
		0.562	0.0	0.0	0.0	0.562	0.562	0.562	0.0	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562	0.562
09	009 A09	0.0	0.0	0.5	0.5	0.5	0.0	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5
		0.5	0.0	0.0	0.0	0.5	0.5	0.5	0.0	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5
10	010 A10	0.0	0.0	0.437	0.437	0.437	0.0	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437
		0.437	0.0	0.0	0.0	0.437	0.437	0.437	0.0	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437	0.437
11	011 A11	0.0	0.0	0.375	0.375	0.375	0.0	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375
		0.375	0.0	0.0	0.0	0.375	0.375	0.375	0.0	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375	0.375
12	012 A12	0.0	0.0	0.312	0.312	0.312	0.0	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312
		0.312	0.0	0.0	0.0	0.312	0.312	0.312	0.0	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312	0.312
13	013 A13	0.0	0.0	0.25	0.25	0.25	0.0	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25
		0.25	0.0	0.0	0.0	0.25	0.25	0.25	0.0	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25	0.25
14	014 A14	0.0	0.0	0.187	0.187	0.187	0.0	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187
		0.187	0.0	0.0	0.0	0.187	0.187	0.187	0.0	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187	0.187
15	015 A15	0.0	0.0	0.125	0.125	0.125	0.0	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125
		0.125	0.0	0.0	0.0	0.125	0.125	0.125	0.0	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125	0.125
16	016 A16	0.0	0.0	0.062	0.062	0.062	0.0	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062
		0.062	0.0	0.0	0.0	0.062	0.062	0.062	0.0	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062	0.062
17	017 A17	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
		0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0